

## Beispiele zur Meldung von Quantitätsangaben

Im Folgenden werden drei Beispiele gezeigt zur Meldung von Quantitäten über observation.valueQuantity mit Komparator, UCUM Code für [IU]/ml und Ct-Wert und Angabe eines Referenzbereiches.

UNPROCESSED Meldungen stellen die Meldung auf Laborseite dar, PROCESSED Meldungen die Meldung bei Ankunft im Gesundheitsamt.

### 1. Beispiel - BPSP-S1-QUANTITY

Beispiel mit Verwendung eines Komparators und Kombination von negativem und positivem Erregernachweis in einer Meldung. Angabe eines Referenzbereiches in der Observation.note.

Meldetatbestand: bpsp

1. Observation:  
24128-1 - "Bordetella pertussis.pertussis toxin IgA Ab [Units/volume] in Serum by Immunoassay"

Ergebnis: <15 [IU]/mL

Interpretation: NEG

Observation.note: "Referenzbereich: <15 [IU]/mL"

Method: 76978006 Enzyme-linked immunosorbent assay (procedure)

2. Observation  
24127-3 "Bordetella pertussis.pertussis toxin IgG Ab [Units/volume] in Serum by Immunoassay"

Ergebnis: 221,0 [IU]/mL

Interpretation: POS

Observation.note: "Referenzbereich: <40 [IU]/mL"

Method: 76978006 Enzyme-linked immunosorbent assay (procedure)

Probe: "119364003" "Serum specimen (specimen)"

### 2. Beispiel - VZVP-S1-QUANTITY

Beispiel mit Verwendung eines Komparators. Angabe eines Referenzbereiches in der Observation.note.

Meldetatbestand: vzvp

1. Observation:  
5404-9 – „Varicella zoster virus IgM Ab [Units/volume] in Serum by Immunoassay“

Ergebnis: > 200 [IU]/mL

Interpretation: POS

Observation.note: " Cutoff: negativ: < 10 U/ml, grenzw.: 10 - 15 U/ml, positiv: > 15 U/ml "

Method: 76978006 Enzyme-linked immunosorbent assay (procedure)

Probe: "119364003" "Serum specimen (specimen)"

### 3. Beispiel - CVDP-S1-QUANTITY

Beispiel für die Meldung eines CT-Wertes mit UCUM Einheit und Befundung mit Verweis auf die Einordnung des gemessenen CT-Wertes.

Meldetatbestand: CVDP

DiagnosticReport.conclusion: Der Nachweis viraler RNA mittels RT-PCR mit Zielsequenzen im N -Gen ist mit einer SARSCoV-2 Infektion vereinbar. Die nachgewiesene hohe Viruskonzentration liegt oberhalb des ermittelten Schwellenbereiches für die Infektiösität des Materials in der Zellkultur (Ct-Wert < 30). Daher ist von einer Kontagiosität des Patienten auszugehen. Aber die Beurteilung der Kontagiosität wie auch die klinische Gesamteinschätzung müssen den Zeitpunkt der Probennahme nach Kontakt oder nach Symptombeginn, die Art und Qualität der Probennahme sowie alle klinischen Begleitumstände berücksichtigen!

1. Observation:  
94510-5 – "SARS-CoV-2 (COVID-19) N gene [Cycle Threshold #] in Specimen by NAA with probe detection"

Ergebnis: 23,2 {Ct\_value}

Interpretation: POS

Methode: 398545005 Nucleic acid assay (procedure)

Probe: 258500001 Nasopharyngeal swab (specimen)