

Beispiele für Striktes Laborprofil

LOINC Version: 2.79

SNOMED: <http://snomed.info/sct/11000274103/version/20241115>

DiagnosticReportCode: MSVP; PathogenDetected

Fall 1: Serologisch V.a. frühe Infektion (IgM- und IgG-Bestimmung),

1. Meldung (MSVP-strikt-SPL1-MV1-M1):

a. Test (=observation): LOINC 7962-4 Measles virus IgG Ab [Units/volume] in Serum
Ergebnis quantitativ (=observation: valueQuantity): 145 IU/l
Referenzwerte (=Observation.referenceRange): low 200, high 275
Interpretation (=interpretation): NEG
Method: 68431000052104 Enzyme-linked immunosorbent assay technique (qualifier value)

b. Test (=observation): LOINC 7963-2 Measles virus IgM Ab [Units/volume] in Serum by Immunoassay;
Ergebnis quantitativ (=observation: valueQuantity): 2.4 Index
Referenzwert (=Observation.referenceRange): low 0.8, high 1.1
Interpretation (=interpretation): POS
Method: 68431000052104 Enzyme-linked immunosorbent assay technique (qualifier value)
Specimen: 11934003 Serum (specimen) (Probennahmedatum 2025-05-15)

c. Freitext (=diagnostic report: conclusion): „Verdacht auf frische Infektion (falls nicht erst kürzlich geimpft wurde); eine unspezifische Reaktion z.B. durch polyklonale Antikörperstimulation bei einer anderen Infektion wäre jedoch auch möglich. Zur sicheren Klärung ist die Kontrolle des Masernvirus-IgG und -IgM nach 1-2 Wochen erforderlich. Bei klin. V.a. Masern weitere Abklärung durch PCR aus Rachenabstrich oder Urin empfohlen. Den Probenbegleitschein des Nationalen Referenzzentrums einschließlich der Falldefinitionen finden Sie unter www.rki.de/DE/Content/Infekt/NRZ/MMR/Masernfragebogen.pdf?__blob=publicationFile. Für die Weiterleitung der Probe ans Nationale Referenzzentrum wird dieser von Ihnen mit klinischen Angaben versehene Begleitschein benötigt.“

Reference Range komplett angegeben

2. Meldung (MSVP-strikt-SPL2-MV2-M1)

a. Test (=observation): LOINC 21501-2 Measles virus IgG Ab [Titer] in Serum by Immunofluorescence
Ergebnis quantitativ (=observation: valueQuantity): 455 IU/l
Referenzwert: negativ (=observation: string/Markdown): <200, positiv >=275
Interpretation (=interpretation): POS

ReferenceRange als Text

b. Test (=observation): LOINC 25299-9 Measles virus IgG Ab [Ratio] in Serum --1st specimen/2nd specimen;
Ergebnis quantitativ (=observation: valueRatio): 1: 3 {ratio}
Interpretation (=interpretation): POS
Method: 68431000052104 Enzyme-linked immunosorbent assay technique (qualifier value)
Specimen: 11934003 Serum (specimen) (10 Tage später nach 1. Probenentnahmedatum; 2025-05-26)

valueRatio verwendet

Freitext (=diagnostic report: conclusion): Bestätigung einer Maserninfektion durch IgG-Bestimmung im zeitlichen Verlauf

Alternativ 2. Meldung mit allen Ergebnissen aus 1. Meldung inkl.: MSVP-strikt-gesamt

ReferenceRange als Text

Fall 2: Genotypisierung per Sequenzierung

1. Meldung (MSVP-strikt-GENE-THROAT-MV3-M1)
 - a. Test (=observation): LOINC 104427-o Measles virus genotype [Identifier] in Specimen by Sequencing
Ergebnis quantitativ (=observation: valueCodableConceptSNOMED): 427290009 | Measles virus genotype D8 (organism) |
Interpretation (=interpretation): POS
Method: 1304162005 Nucleic acid sequencing technique (qualifier value)
 - b. Test (=observation): LOINC LOINC 104427-o Measles virus genotype [Identifier] in Specimen by Sequencing
Ergebnis quantitativ (=observation: valueCodableConceptSNOMED): 41482005 | Molecular sequence data
Observation.value[x]:valueCodeableConcept.text: WHO Sequenz-Nummer (Distinct Sequenz ID): 8782
Interpretation (=interpretation): POS
Method: 1304162005 Nucleic acid sequencing technique (qualifier value)
 1. Specimen: 258529004 | Throat swab (specimen) |